

**Příloha je nedílnou součástí  
osvědčení o akreditaci č.: 427/2024 ze dne: 27. 8. 2024**

**Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**  
objekt číslo 1549, Genomia  
Republikánská 1218/6, Lobzy, 312 00 Plzeň

*Laboratoř uplatňuje flexibilní přístup k rozsahu akreditace.*

*Aktuální seznam činností prováděných v rámci flexibilního rozsahu má laboratoř k dispozici na webových stránkách laboratoře <http://www.genomia.cz/cz/quality/> ve formě „Seznam činností v rámci flexibilního rozsahu akreditace“.*

*Laboratoř poskytuje odborná stanoviska a interpretace výsledků zkoušek.*

*Detailní informace k činnostem v rozsahu akreditace (stanovované markery) jsou uvedeny v části „Upřesnění rozsahu akreditace“.*

**Zkoušky:**

Pořadové číslo <sup>1</sup>	Přesný název zkušebního postupu / metody	Identifikace zkušebního postupu / metody <sup>2</sup>	Předmět zkoušky	Stupně volnosti <sup>3</sup>
1	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-pes	Krev, stěr sliznice, genomová DNA a tkáň psů	A, B
2	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-accipiter	Krev, genomová DNA, tkáň a peří jestřábů	A, B
3	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-feline	Krev, stěr sliznice, genomová DNA a tkáň kočkovitých šelem	A, B
4	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-amazona	Krev, genomová DNA, tkáň a peří amazoňanů	A, B
5	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-ara	Krev, genomová DNA, tkáň a peří ar	A, B
6	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-kakadu	Krev, genomová DNA, tkáň a peří kakadů	A, B
7	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity	SOP35-equine	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň a žíně koní	A, B
8	Detekce mutace ve zvířecím genomu metodou přímého sekvenování DNA	SOP172-mtDNA	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň a peří	A, B
9	Detekce mutace c.2032G>A <i>PLOD1</i> genu způsobující onemocnění WFFS metodou real-time PCR-ASA	SOP175-WFFS	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň a žíně koní	-
10	Detekce expanze repetitivního 12-meru v <i>NHLRC1</i> genu způsobující epilepsii Lafora metodou ASA-PCR	SOP187-Lafora	Krev, stěr sliznice, genomová DNA a tkáň psů	-

**Příloha je nedílnou součástí  
osvědčení o akreditaci č.: 427/2024 ze dne: 27. 8. 2024**

**Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**  
objekt číslo 1549, Genomia  
Republikánská 1218/6, Lobzy, 312 00 Plzeň

Pořadové číslo <sup>1</sup>	Přesný název zkušební postupu / metody	Identifikace zkušební postupu / metody <sup>2</sup>	Předmět zkoušky	Stupně volnosti <sup>3</sup>
11	Genotypování masivně paralelním sekvenováním	SOP188-MPS-canine (AgriSeq Canine TD panel (Thermo Fisher Scientific), AgriSeq Canine PI (Thermo Fisher Scientific))	Krev, stěr sliznice, genomová DNA a tkáň psů	A, B

<sup>1</sup> v případě, že laboratoř je schopna provádět zkoušky mimo své stálé prostory, jsou tyto zkoušky u pořadového čísla označeny hvězdičkou

<sup>2</sup> u datovaných dokumentů identifikujících zkušební postupy se používají pouze tyto konkrétní postupy, u nedatovaných dokumentů identifikujících zkušební postupy se používá nejnovější platné vydání uvedeného postupu (včetně všech změn)

<sup>3</sup> stupeň volnosti: A – Flexibilita týkající se materiálů/výrobků (předmět zkoušky), B – Flexibilita týkající se komponent/parametrů/vlastností, C – Flexibilita týkající se výkonnosti metody, D – Flexibilita týkající se metody

Laboratoř může modifikovat zkušební postupy s uvedeným stupněm volnosti v dané oblasti akreditace při zachování principu měření. Není-li uveden žádný stupeň volnosti, nemůže laboratoř pro danou zkoušku uplatňovat flexibilní přístup k rozsahu akreditace.

**Upřesnění rozsahu akreditace:**

Pořadové číslo zkoušky	Detailní informace k činnostem v rozsahu akreditace (stanovované markery)
1	INRA21, AHT137, REN169D01, AHTTh260, AHTk253, INU005, REN169O18, INU055, FH2848, AHTk211, CXX279, REN54P11, INU030, Amelogenin, AHT121, FH2054, REN162C04, AHTTh171, REN247M23, AHTH130, REN105L03, REN64E19
2	Age10, Age9, Age7, Age4, µAge1a, Age5, Age11, Age2
3	FCA 026, FCA 069, FCA 075, FCA 105, FCA 149, FCA 201, FCA 220, FCA 229, FCA 293, FCA 310, FCA 441, FCA 453, FCA 649, FCA 678, ZFX Y
4	AgGT21, AgGT12, AgGT29, AgGT72, AgGT83
5	UnaCT55, UnaCT32, UnaCT21, UnaCT74, UnaCT43
6	pCIA119, pCIA125, pCIA 139, pCIA105, pCID7, pCIA118, pCIA128, pCID109, pCI8
7	VHL20, AHT5, HMS2, AHT4, HTG10, LEX3, ASB23, HMS1, ASB2, HTG6, HMS3, HTG4, CA425, HMS6, HTG7, ASB17, HMS7
11	ad-pra-RHO (c.11C>G); ai-akita-ACP4 (c.1189dupG); Alexander-GFAP (c.719G>A); ams-GDNF (g.70875561C>T); ards-ANLN (c.31C>T); b-aus-TYRP1 (c.555T>G); Bc-DMD (c.2841delT); c2092-SLC3A1 (c.2092A>G); c574-SLC3A1 (c.574A>G); c649-SLC7A9 (c.649G>A); CDMC-nsdt1-SLC25A12 (c.1337C>T); CDMC-SLC25A12 (c.1046T>C); cjm-YARS2 (c.1054G>A); ckchs2-dmd (c.6057_6063del); Clp-ADAMTS20 (c.1358_1359del); Cms-gr-LOC608697 (c.880G>A); Cms-ht-CHRNE (c.1436_1437insG); Cms-jrt-CHRNE (c.636_637insC); Cms-lr-LOC608697 (c.1010T>C); cmsd-cc-SERAC1 (c.128+1_128+4delGTAA); cmsd-kbt-SERAC1 (c.1482G>A); cmt-SBF2 (c.2363+1G>T); Cnm-DNM2 (c.1393C>T); cocoa-HPS3 (c.2420G>A); csnb-beagle-LRIT3 (c.763del); d2-MLPH (c.705G>C); Das-TNR (c.831dup); dcm-sch-RBM20 (22 bp deletion); dcm-wss-PLN (c.26G>A); Deaf-CDH23 (c.700C>T); Deaf-MYO7A (c.3719G>A); Deaf-PTPRQ (c.9230_9231insA); Deafness-LOXHD1 (c.5747G>C); dsra-MIA3 (c.3822+3_3822+4del); e2-MC1R (c.-432G>C); e3-MC1R (c.816_817del); Ecle-UNC93B1 (c.1438C>A); eg-MC1R (c.233G>T); eh-MC1R (c.250G>A); eopra-CCDC66

**Příloha je nedílnou součástí  
osvědčení o akreditaci č.: 427/2024 ze dne: 27. 8. 2024**

**Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**  
objekt číslo 1549, Genomia  
Republikánská 1218/6, Lobzy, 312 00 Plzeň

Pořadové číslo zkoušky	Detailní informace k činnostem v rozsahu akreditace (stanovované markery)
	(c.2262_c.2263insA); Ep-cas-COL7A1 (c.4579C>T); Fn-acs-COL4A4 (c.115A>T); Fn-ass-COL4A4 (c.2713C>T); gg-OLFML3 (c.590G>A); gm2-jc-HEXA (c.967G>A); gm2-shiba-HEXB (c.618_620delCCT); Ha-nb-KCNIP4 (c.436T>C); Ha-ne-HACE1 (c.1001del); hairless-amt-SGK3 (c.287_290delTTAG); Hpp-ALPL (c.1301T>G); Chg-fb-TPO (c.2242+2T>C); Chg-rt-TPO (c.331C>T); chg-swd-TPO (c.39_40insG); icta2-gr-ABHD5 (c.1006_1019del); Igs-kom-CUBN (c.8746+1G>A); ipd-AKNA (c.2717_2720delACAG); jbd-PITRM1 (c.175_180del); jme-DIRAS1 (c.564_567del); Labradoodle-DMD (c.2668C>T); lad-MKLN1 (c.400+3A>C); Lemp-rw-NAPEPLD (c.345_346insC); locI-MFSD12 (c.151C>T); lpn2-GJA9 (c.1107_1108delAG); lppn3-CNTNAP1 (c.2810G>A); Ls-P3H2 (c.1849G>C); lsd-ATG4D (c.1288G>A); mac-CARD9 (deletion); mdl-COL6A1 (c.289G>T); mdr1-ABCB1 (c.228_231del); Mfe-mff (c.471_475delinsCGCTCT); mh-RYR1 (c.1643T>C); Mha-MYH9 (c.5521G>A); mps6-pinc-ARSB (c.910G>A); Mtc-TUBB1 (c.5G>A); mtm1-rw (c.1151A>C); nad-PLA2G6 (c.1579G>A); Nad-TECPR2 (c.4009C>T); Nad-VPS11 (c.2504A>G); ncl12-acd-ATP13A2 (c.1118C>T); ncl7-MFSD8 (c.846del); nt-dmd (c.3084delG); obezita-POMC (c.561_575del); Pap-pra1-CNGB1 (c.2387_2389delinsCTAGCTAC); pcd-am-NME5 (c.43delA); Pcd-aus-STK36 (c.2868-1G>A); Pdh-pdp1 (c.829C>T); Pdk-PIGN (c.398C>T); Pfk-nk-PFKM (c.550C>T); Pkdef-bas-PKLR (c.433del); Pkdef-whwt-PKLR (c.1333_1338dup); poag-pII-ADAMTS17 (c.3069_3074del); Pra-BBS2 (c.1222G>C); Pra-bbs4 (c.58A>T); pra-gsch-NECAP1 (c.544G>A); Pra-GUCY2D (c.1598_1599insT); Pra-IFT122 (c.3176G>A); pra1-HIVEP3 (g.1432293G>A); PRCD (c.5G>A); Rdhn-INPP5E (c.1572+5G>A); SACS (c.12731_12734del); scd-HES7 (c.126delG); scn-ab-SCN8A (c.4898G>T); Screw-DVL2 (c.2051del); sd3-PCYT1A (c.673T>C); SPAID-MTBP (c.2623G>A); SSADHD-ALDH5A1 (c.866G>A); Startle-sg-SLC6A5 (c.1379_1380delCT); stgd-ABCA4 (c.4176dup); thrombo-RASGRP2 (c.982C>T); Uas-ADAMTS3 (c.2786G>A); Vasd-C20H19orf70 (c.325G>A); vdegs-SCARF2 (c.1873_1874del); VwdII-chcd (c.1657T>G); vwdIII-ss-VWF (c.738del); xlpra-RPGR (c.3416_3420del); Xu-ckchs-MOCOS (c.383del); Xu-dach-MOCOS (c.137T>C); Xu-mt-MOCOS (c.232G>T)